

CONTENIDO

	Página
ÍNDICE DE FIGURAS	iii
RESUMEN	iv
I. INTRODUCCIÓN	6
II. REVISIÓN DE LITERATURA	9
2.1. Sistemática, filogenia y conceptos centrales	9
2.2. La tribu <i>Ingeae</i> y la alianza <i>Pithecellobium</i>	13
2.3. Sistemática de la tribu <i>Ingeae</i> y <i>Pithecellobium</i>	14
2.4. Introducción a los caracteres florales, geográficos y ecológicos	20
III. OBJETIVOS	22
3.1. Objetivo general	22
3.2. Objetivos específicos	22
IV. HIPÓTESIS	23
V. MATERIALES Y MÉTODOS	24
5.1. Selección de los grupos	24
5.1.1. Grupo interno	24
5.1.2. Grupo externo	25
5.2. Obtención de caracteres morfológicos	25
5.3. Caracteres utilizados en el análisis	26
5.3.1. Caracteres reevaluados	26
5.3.2. Nuevos caracteres	28
5.3. Análisis cladístico	36
5.3.1. Obtención del árbol óptimo	37

	Página
VI. RESULTADOS	38
6.1. Árboles más parsimoniosos de la matriz original y corregida	38
6.2. Análisis de la nueva matriz de datos morfológicos	41
6.2.1. Árboles más parsimoniosos para <i>Pithecellobium</i>	42
6.2.1.1. Consenso mayoritario (majority rule)	44
6.2.2. Árboles más parsimoniosos para la alianza completa	45
6.2.2.1. Remuestreo con Bootstrap	48
6.2.2.2. Optimización de caracteres	48
VII. DISCUSIÓN	50
7.1. Robustez de los árboles	51
7.2. Monofilia y relaciones de grupos hermanos	53
7.3. Evolución de los caracteres florales	58
7.4. Caracteres ecológicos y geográficos	60
VIII. CONCLUSIONES	62
IX. LITERATURA CITADA	63
X. ANEXOS	68